

Применение тандемной масс-спектрометрии в клинической лабораторной диагностике

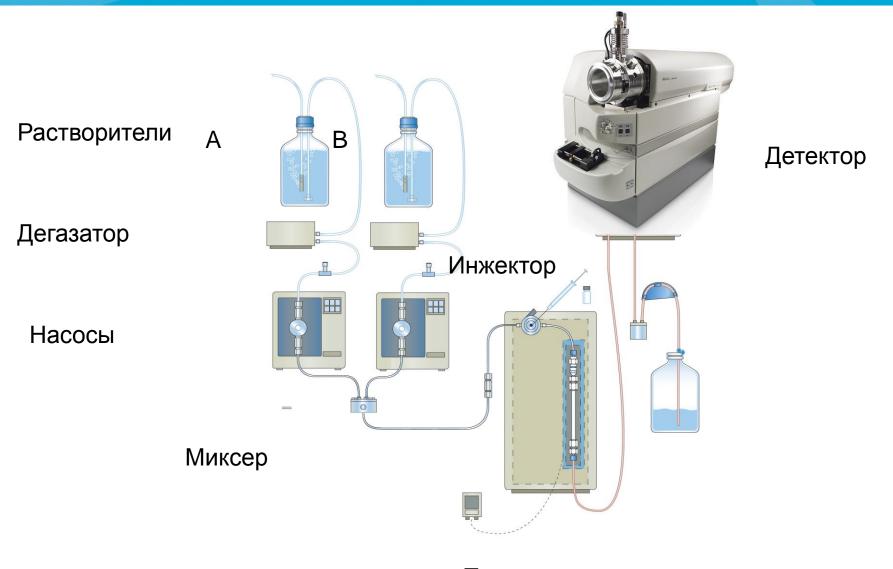
Мещанкина Т.Е. - Руководитель направления масс-спектрометрии «Агентство Химэксперт»

Содержание

- Перспективы применения масс-спектрометрии в клинической лаборатории
- Обзор возможностей и применений



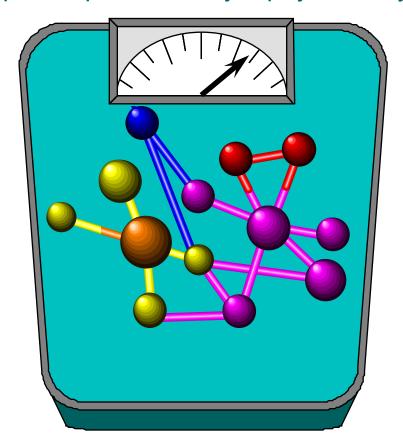
Жидкостной хроматограф





Что такое масс-спектрометр?

Масс-спектрометр измеряет молекулярную массу вещества



(технически, *отношение* массы к заряду, m/z)



Преимущества тандемной масс-спектрометрии в сравнении с иммунохимическими методами

- Высокая селективность и специфичность
- Высокая чувствительность
- Простая и экономичная пробоподготовка
- Короткое время выполнения анализа
- Возможность объединения разных классов аналитов в одном анализе
- Низкие издержки на один образец



Эволюция масс-спектрометрии в диагностике

На сегодняшний день

Интегрированное решение

Специализированный клинический анализатор Включение в линию

Лабораторные тесты



- Маркировка Class I и CE IVD (2a)
- Опытный персонал
- Загрузка партиями
- Меню ПО вызывается вручную

Нет меню тестов

Интегрированные системы, одобренные регулятором



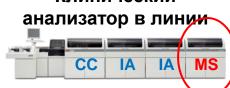
- Class II (Высокая сложность)
- Автоматизированна я пробоподготовка
- Наборы реагентов
- Улучшенное ПО
- Меню тестов

Клинический анализатор



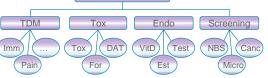
- Средняя сложность, Class II
- Полностью автоматизированные процессы
- Коммуникация через ЛИС
- Обширное меню тестов

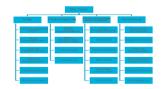
Клинический

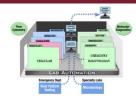


- Встраивание в модульный клинический анализатор
- Интеграция в ЛИС
- Средняя сложность Class II
- Полное меню валидированных и утвержденных тестов











Номенклатурная классификация медицинских изделий по видам

Утверждена приказом Министерства здравоохранения Российской Федерации (Минздрав России) от 25 сентября 2014 г. N 557н

5. Медицинские изделия для in vitro 107660 диагностики (ИВД) 5.01. Анализаторы ИВД

ий ИВД, автоматический

токе), предназначенный для использования при качественном Анализатор масс- и/или количественном определении химического состава спектрометрическ клинического образца с помощью ионизации образца и разделения полученных ионов по массе с помощью электрического и магнитного поля. Устройство работает при минимальном участии техника и полной автоматизации всех процедурных этапов.

Лабораторный аппарат, работающий от сети (на переменном

5. Медицинские изделия для in vitro 107670 диагностики (ИВД) 5.01. Анализаторы ИВД

Анализатор массспектрометрическ ий ИВД, полуавтоматичес кий

Лабораторный аппарат, работающий от сети (на переменном токе), предназначенный для использования при качественном и/или количественном определении химического состава клинического образца с помощью ионизации образца и разделения полученных ионов по массе с помощью электрического и магнитного поля. Устройство работает при минимальном участии техника и полной автоматизации всех процедурных этапов. Устройство работает при минимизированном участии техника и частичной, но не полной автоматизации всех процедурных этапов.





Обзор применений: Лекарственный мониторинг

Анализ иммуносупрессоров



Иммуносупрессоры - структура

Tacrolimus (aka FK-506) MW 822.0

Sirolimus (aka Rapamycin) MW 914.2

Everolimus MW 958.2

Cyclosporin A MW 1202.6



Преимущества тандемной масс-спектрометрии при анализе иммуносупрессоров

• Селективность:

- Отсутствие кросс-реакций и наложений
- Чувствительность
- Хорошая чувствительность в большом диапазоне концентраций
- Пробоподготовка
 - Минимальная пробоподготовка
 - Возможность автоматизации очистки образцов
 - Достаточно небольших количеств образца

• Точность:

- Достоверный и точный количественный анализ с использованием стандартов

• Гибкость

- Одновременное исследование нескольких препаратов
- Можно объединить с другими панелями исследований



Параметры анализа крови на иммуносупрессоры с использованием тандемного масс-спектрометра

Analyte	S/N	%CV	LLOQ (ng/mL)
Cyclosporin	435	3.9	1.6
Tacrolimus	20	7.2	1.3
Sirolimus	14	8.6	2.3
Everolimus	11	4.3	2.5





Анализ витамина D

Формы витамина D

 Две формы витамина D; Витамин D₃ – продукт метаболизма и витамин D₂ поступающий с пищей

$$CH_3$$
 CH_3
 CH_3

Эргокальциферол

Витамин D_2

MW 396.7

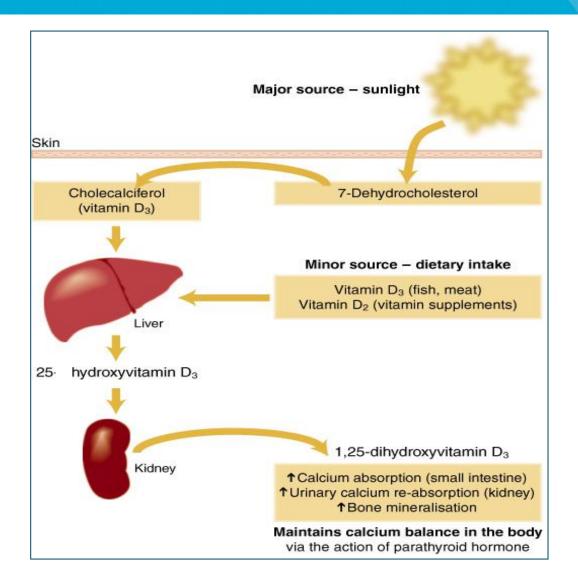
Холекальциферол

Витамин D_3

MW 384.6



Метаболизм витамина D





Зачем измерять 25-гидроксивитамин D?

- Концентрация 25-гидроксивитамин D отражает общий статус витамина D
- Анализ 25-гидроксивитамин D позволяет сделать выводы о недостатке, дефиците или токсичном уровне витамина D
- Зачем измерять уровень 25-гидроксивитамина D2?
 - Стандартная форма препарата для приема
 - Анализ помогает избежать избыточного потребления препаратов, содержащих витамин D



Аналитические характеристики

Аналит	% CV (Low QC)	% CV (High QC)	LLOQ (мкг/л)
25-ОН-Витамин D ³	2.7	4.2	3.0
25-ОН-Витамин D ²	3.9	4.3	2.2

Эффективность экстракции

Аналит	Сыворотка (%)	Плазма (%)
25-OH-Vitamin D ³	93	96
25-OH-Vitamin D ²	95	91





Анализ сухих пятен крови на аминокислоты и ацилкарнитины – неонатальный скрининг



Анализ сухих пятен крови на аминокислоты и ацилкарнитины

Рутинное количественное определение аминокислот и ацилкарнитинов с помощью тандемной масс-спектрометрии - ВЭЖХ/МС/МС (система <u>AB SCIEX 3200MD Series</u>)

- наборы реагентов
- Данные для диагностики около 40 заболеваний, связанных с наследственными нарушениями обмена веществ полученные в результате анализа сухого пятна крови
- Простая конфигурация оборудования не требуется хроматографическое разделение



Целевые аналиты

Аминокислоты

Alanine
Glutamic acid
Ornithine

Arginine
Glycine
Phenylalanine

Aspartic acid Leucine/Isoleucine Tyrosine Citrulline Methionine Valine

Ацилкарнитины

Carnitine - C18-Carnitine

Хроматографическая колонка не используется!



Пример отчета о выполнении теста на аминокислоты и ацилкарнитины (с маркировкой отклонений)



Created with ClearCore MD 1.0 – Quantitation Reporter Printed: 12/06/2014 2:41:14 PM

Per Sample Report

Sample: High control

Sample				
Data File		Date		
Sample Number	1	Vial	85	
Sample Type		Plate	1	
Processing				
Method				

TestName	Result	Units	Qualifier	LCL	UCL
Alanine	564.121	μM	PASSED	301	1073
Aspartic acid	219.214	μM	PASSED	199	402
Arginine	116.687	μM	PASSED	88	255
Citrulline	217.906	μM	PASSED	200	343
Glutamic acid	520.168	μM	PASSED	476	908
Glycine	378.808	μM	FAILED_TOO_LOW	641	1184
Leucine	411.888	μM	PASSED	355	712
Methionine	178.572	μM	PASSED	92	368
Omithine	426.593	μM	PASSED	316	693
Phenylalanine	377.894	μM	PASSED	325	730
Tyrosine	422.728	μM	PASSED	353	679
Valine.	276.157	μM	PASSED	275	564
C2-Camitine	59.929	μM	PASSED	41.8	93.2
C3-Camitine	12.188	μM	PASSED	9.49	19.8
C4-Camitine	4.116	μM	PASSED	2.49	6.05
C5-Camitine	1.902	μM	PASSED	1.36	3.46
C5-DC-Camitine	3.569	μM	PASSED	1.07	3.58
C6-Camitine	1.867	μM	PASSED	1.39	2.98
C8-Camitine	2.037	μM	PASSED	1.47	3.33
C10-Camitine	1.889	μM	PASSED	1.33	3.51
C12-Carnitine	1.849	μM	PASSED	1.48	3.04
C14-Carnitine	1.812	μM	PASSED	1.32	3.12
C16-Camitine	11.866	μM	PASSED	8.03	18.2
C18-Carnitine	7.406	μM	PASSED	4.79	12.9
alanine/arginine ratio	4.834		PASSED	0	00





Аналитическая токсикология

Методические рекомендации



Ассоциация специалистов и организаций лабораторной службы

 N_{2}

• от от тубе и подтверждающие химико-токсикологические исследования

Наименование оборудования

127083, Россия, г. Москва, ул. 8 Марта, д.1, ст

методическі

Правила проведения х исследований на пред обучающихся в общеобра профессиональных образтакже образовательных образования в целях ран потребления наркотичес веществ наркотических сранстоксических веще

Moc

п/п		единиц			
	Аналитическое оборудование				
1	Оборудование для анализа проб методом ВЭЖХ/МС/МС,	Не менее 1			
	включая:				
	тандемный квадрупольный масс- спектрометр; управляющий				
	компьютер;				
	программное обеспечение для управления масс-				
	спектрометром и жидкостным хроматографом;	1			
	программное обеспечение для обработки и хранения				
	результатов анализа;				
	библиотеки масс- спектров;				
	принтер для распечатки результатов анализа;				
	высокоэффективный жидкостной хроматограф с системой				
	автоматического ввода образцов (автосамплер), двумя				
	насосами, дегазатором, UV-детектором, термостатом;				
	газогенераторную станцию для газоснабжения масс-				
1	спектрометра с компрессором (компрессорами).				



Количество

Скрининг на наркотики

Основные характеристики:

>300 соединений в рутинном скрининговом методе8-12 минут – время анализа

Подтверждение с помощью

спектральных библиотек

>1400 веществ в библиотеке

Возможность работы с любыми

матрицами

Готовая методика анализа



Introduction

Due to the widespread use and abuse of drugs, comprehensive screening for the detection of pharmaceuticals and illicit drugs is an important part of toxicological analysis and is other divided into two categories: targeted screening and general unknown screening.

Targeted screening is a directed screening approach that analyzes samples for a specific list of drugs. This method is other referred to as "multi-funger screening", or MTS, and currently constitutes the majority of the screening tests performed. The types of drugs used or abused are often limited to a few hundred compounds; therefore, most MTS methods are focused on detecting a subset of the most commonly used drugs. Restricting the analysis in this way affects the use of sentitive and selective world-lows, providing detection of low concentrations of drugs in complex biological matrices. Since this approach detects only those compounds selective, a priori, it will not reveal the presence of a compound not included in the target drug list.

While the majority of soreening tests are targeted, interest in period unknown screening (SUS) is continuing to grow. GUS does not use a target analyte list, so the analytis is sensitive to detection of unexpected pharmaceuticals, nutritional supplement based analytes, and designer rings. The trade off for GUS is a slight compromise in the level of detection. In many applications, this limitation is minor given the benefit of identifying unpredicted analytes.

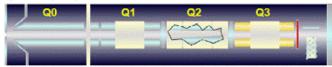
Screening has traditionally been performed using immunoassay, figuid chromatography with ultra-violet detection (LC/UV), or gas chromatography-mass spectrometry (DC/MS).



Immunossays are widely used because they are inexpersive, senablee, and easy to implement. Discovere, these sets are only available for a limited number of drug classes, suffer from a lack of specificity due to cross reactivity, and are not easily adapted to detect new frags. Furthermore, multiple analyses must be performed for complete compound coverage when screening for drugs across several classes.

LC/UV based methods also suffer from a lack of specificity. UV spectra are derived from the UV absorption of specific functional groups so compound identification still requires confirmation against a pure standard. Unambiguous compound identification and quantification also requires the target analyte to be completely resolved from neighboring components, which may necessitate long LC unstines. Unfortunately, long runtimes are not prompable with the high throughput demands of most drug screening laboratories.



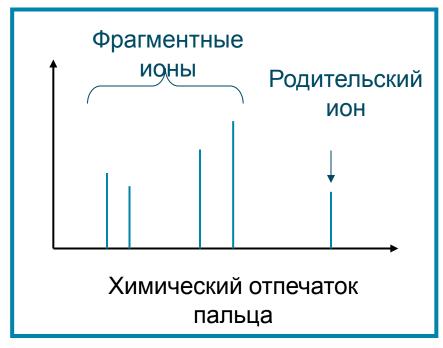


The instrument operates as a true triple quadrupole instrument, using Q1 and Q3 as mass filters and Q2 as a collision cell. In this hybrid instrument, Q1 functions as a linear ion trap, allowing rapid acquisition of sensitive full-scan MS and MS/MS spectra.

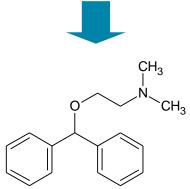


Использование МС/МС библиотек











Прочие приложения

<u>∧</u> Анализ стероидов

- Панель стероидов
- Тестостерон
- Низкие концентрации тестостерона
- Эстроген/Эстрадиол

• Биомаркеры

- Гомоцистеины
- Гомованилиновая кислота
- Метанефрины
- T3/T4/FT3/FT4
- Этилсульфаты и этилглюкорониды
- Метаболиты никотина
- MMA
- Гемоглобинопатии



Для лабораторий, нуждающихся в новых технологиях для повышения скорости анализа, селективности и чувствительности результаты, которым можно доверять



Серия **AB SCIEX 3200MD** устанавливает новый стандарт **надежного рутинного количественного анализа множественных аналитов** в клинической лабораторной диагностике.

Также доступна с уникальной функцией QTRAP®, позволяющей проводить одновременный количественный и качественный анализ повышая таким образом уровень достоверности.

Понятный оператору интерфейс — ПО Cliquid® с поддержкой русского языка, а также специализированная методическая и сервисная поддержка, позволяет серии 3200MD стать идеальной стартовой системой для КДЛ



Выводы

- Тандемная масс-спектрометрия универсальная технология с большим потенциалом применения в клинических лабораториях
- Масс-спектрометрия является альтернативой иммунохимическим методам и позволяет повысить достоверность, снизить издержки, снизить количество выполняемых анализов
- Технология AB SCIEX разработана с учетом обширного опыта в области клинических исследований, что дает уверенность в успешном внедрении в клиническую лабораторную диагностику масс-спектрометров API 3200MD™ & 3200MD QTRAP® и наборов реагентов



Потому что достоверные клинические результаты стоят того





Answers for Science. Knowledge for Life.™

